

IDENTIFICAÇÃO MOLECULAR DE ISOLADOS DE AGENTE BIOPROTETOR DO CAFÉ

THAIS ODETE DE OLIVEIRA¹, PATRÍCIA GOMES CARDOSO², CARLOS JOSÉ PIMENTA³.

O uso dos fungos como agentes de controle biológico depende de uma caracterização adequada, possibilitando a discriminação de isolados. Para a caracterização é importante conhecer a morfologia, fisiologia e genética do fungo. A análise de características morfológicas e genéticas fornece suporte para resolver questões originadas pela sistemática clássica na identificação das espécies, assim como permite a análise filogenética de gêneros e espécies relacionadas. Dentre as técnicas moleculares utilizadas para avaliar a diversidade genética entre isolados tem-se o RAPD (*Random Amplified Polymorphic DNA*). Alguns isolados de fungos filamentosos têm sido relatados como agentes bioprotetores do café, protegendo o grão contra ataque de insetos e outros microorganismos. Esses isolados foram identificados morfológicamente como pertencentes ao gênero *Cladosporium*, entretanto sua caracterização molecular ainda não foi realizada. Fungos deste gênero são endofíticos, entomopatogênicos, facilmente isolados de folhas, frutos e grãos do cafeeiro. Devido ao valor dos fungos entomopatogênicos como agentes no controle biológico, a caracterização destes é muito importante, sendo possível discriminar os isolados por meio do conhecimento de seu padrão de comportamento e do seu genoma. Por isso, baseado nos efeitos de *Cladosporium cladosporioides* como agente bioprotetor do café, o presente estudo teve por objetivo avaliar a diversidade genética de isolados do mesmo utilizando a técnica de RAPD. Foram utilizados 10 *primers* arbitrários para análise por RAPD de seis isolados do gênero *Cladosporium* provenientes de plantas de café de diferentes regiões do Sul do estado de Minas Gerais. Esses isolados foram identificados utilizando amplificação e sequenciamento da região ITS (*Internal transcribed spacer*) do rDNA. A análise por RAPD mostrou que os isolados não apresentam genoma idêntico, já que pôde ser observado polimorfismo com os *primers* utilizados, confirmando a existência de variabilidade genética. O alinhamento das sequências da região ITS mostrou identidade com sequências depositadas no GenBank de *Cladosporium cladosporioides*.

Palavras-chave: Identificação molecular, *Cladosporium cladosporioides*, agente bioprotetor, diversidade genética, RAPD (*Random Amplified Polimorphic*).

¹Mestranda em Ciência dos Alimentos, DCA/UFLA, thaisodete@yahoo.com.br

²Professor adjunto, DBI/UFLA, patricia@dbi.ufla.br

³Professor adjunto, DCA/UFLA, carlos_pimenta@dca.ufla.br