

**DIVERSIDADE GENÉTICA DE *Cavanillesia arborea* K. SCHUM POR MEIO DE
MARCADORES RAPD**

MARIA FERNANDA MAIA FERREIRA¹, GABRIELA MEDEIROS SILVA²

Nos últimos anos, as matas secas (Florestas Estacionais Deciduais) têm estado sob forte ameaça de degradação e fragmentação, o que tem comprometido o patrimônio genético dos ecossistemas. As espécies presentes nessa fitofisionomia correm o risco de extinguir-se, já que a diversidade genética presente nas populações tem diminuído significativamente devido aos efeitos da fragmentação sobre o fluxo gênico dos indivíduos, sobre o comportamento dos polinizadores e dispersores, sobre o sistema reprodutivo etc. Diante dessa realidade, existe necessidade urgente de estabelecer estratégias de conservação genética das espécies mais ameaçadas das matas secas, com utilização dos conhecimentos sobre a estrutura genética das mesmas. A *Cavanillesia arborea* K. Shum é um exemplo de espécie da mata seca que figura na lista das espécies ameaçadas de extinção. Como o conhecimento da quantidade e da distribuição da variabilidade genética das populações da espécie é fundamental para o estabelecimento de estratégias eficazes de conservação genética, este trabalho objetivou analisar a diversidade genética de três populações de *C. arborea*, de ocorrência no Norte do Estado de Minas Gerais, por meio de marcadores RAPD. Amostras de caule foram utilizadas para a extração do DNA a partir do protocolo proposto por Mogg e Bond (2003), e a amplificação do DNA foi feita a partir da técnica PCR-RAPD. Os índices de diversidade genética mostraram que as populações apresentam baixos níveis de diversidade genética intrapopulacional. Os resultados podem ser advindos de um efeito fundador aliado à deriva genética. Durante o final do período seco do Pleistoceno a expansão da *C. arborea* pode ter sido promovida por poucos indivíduos, o que pode ter refletido na diversidade genética das populações. Também foi observada alta variação genética entre as populações amostradas (36,77%). Isso pode ser conseqüência da fragmentação, que pode diminuir ou restringir o fluxo gênico entre as populações, distanciando-as geneticamente. O padrão da distribuição da diversidade genética sugere que a *C. arborea* pode estar em sério risco de figurar entre as espécies mais ameaçadas das matas secas, o que exige a sua inclusão urgente em programas de conservação genética. Para isso, torna-se necessário que outros estudos sejam feitos, a fim de se obter estimativas mais precisas sobre a diversidade genética da espécie.

Palavras-chaves: *Cavanillesia arborea*, Diversidade Genética, RAPD, Fragmentação.

¹ Mestranda em Engenharia Florestal, DCF/UFLA. ferreiramfm@yahoo.com.br

² Bióloga. gms.bio@gmail.com